



ТД «ЭСКО»
Точные измерения
— наша профессия!

ТЕЛЕФОН В МОСКВЕ: +7 (495) 231-11-31
БЕСПЛАТНЫЙ ЗВОНОК: 8 800 201-11-31
ЦЕНТРАЛЬНЫЙ ОФИС В МОСКВЕ
УЛИЦА ЛЕНИНОВСКОГО, ДОМ 51

РАБОТАЕМ В БУДНИ С 9 ДО 18
ZAKAZ@ESKOMP.RU

Масс-спектрометры Orbitrap™ Excedion™ Pro



Ори-
уни-
цей

Описание Масс-спектрометры Orbitrap™ Excedion™ Pro

Откройте для себя масс-спектрометры нового поколения Thermo Scientific™ Orbitrap™ Excedion™ Pro — гибридные системы с исключительной производительностью для анализа белков, пептидов и малых молекул.

Расширьте возможности исследований и достигайте научных открытий с помощью масс-спектрометров Orbitrap Excedion Pro Hybrid, доступных в различных конфигурациях для решения конкретных аналитических задач.

Модель Orbitrap Excedion Pro BioPharma предназначена для биофармацевтических приложений и структурной биологии высокого порядка, обеспечивая детекцию масс до m/z 12 000. Опциональные режимы **быстрой и чувствительной фрагментации Electron Transfer Dissociation (ETD)** и **Electron-Transfer/Higher-Energy Collision Dissociation (EThcD)** могут быть установлены на заводе или дооснащены в поле.

Базовая модель Orbitrap Excedion Pro обеспечивает выдающуюся производительность для протеомики и расширенные возможности для высокочувствительного анализа в ненаправленной метаболомике и липидомике. Опциональные режимы ETD/EThcD также доступны при заводской установке или модернизации.

Раскройте возможности биофармацевтической характеристики

- Обнаружение низкоконцентрированных форм Asp/IsoAsp изомеризации.
- Детализированное структурное определение — различение изобарных масс лейцина и изолейцина с высокой уверенностью.
- Повышение полноты покрытия последовательностей при анализе по подходу middle-down с помощью быстрой радикальной фрагментации.

Инновационный анализ структур биомолекул высокого порядка

- Опция фрагментации ETD обеспечивает почти аминокислотное разрешение в анализе **Hydrogen-Deuterium Exchange (HDX)** по схемам bottom-up и top-down с высокой чувствительностью.
- Быстрая и чувствительная реакция ETD с радикальными анионами флуорантена (m/z 202) генерирует фрагменты c/z ; режим **EThcD** достигается путём повторного ускорения ионов ETD для HCD-фрагментации.
- MS-анализ на основе HDX предоставляет комплексный инструмент для исследования конформации белков, их динамики и взаимодействий белок–белок.

Достигайте превосходства в протеомных исследованиях

- Точное количественное определение с расширенным динамическим диапазоном.
- Поддержка гибридного режима **Hybrid-DIA**.
- Глубокое покрытие протеома.
- Анализ посттрансляционных модификаций (**PTMs**) с использованием ETD.
- Иммунопептидомика с фрагментацией EThcD.

Расширьте горизонты метаболомных исследований

- Повышенная чувствительность — до 10-кратного улучшения в зависимости от соединения.
- Расширенный динамический диапазон (**eDR**).
- Улучшенная аннотация неизвестных соединений.

Одновременное измерение нескольких параметров в одном эксперименте

- До 20 прекурсорных ионов на один скан.

Характеристики Масс-спектрометры Orbitrap™ Excedion™ Pro

Технические характеристики:

- **Пределы обнаружения:**
 - Полный скан: < 1,5 фг резерпина на колонке
 - MS2: < 1,5 фг резерпина на колонке
 - SIM: < 0,8 фг резерпина на колонке
- **Габариты (Д × Ш × В):** 758 × 535 × 703 мм (29,8 × 21 × 27,7 дюймов)
- **Динамический диапазон:** до 5 порядков в пределах одного сканирования
- **Фрагментация:** стандартно — **Higher Collisional Dissociation (HCD)** для ионов b/y ; опционально — **Electron Transfer Dissociation (ETD)** для ионов c/z (установка на заводе или в поле)
- **Интakтный белковый режим:** повышенная производительность для крупных молекул
- **Модель:** Orbitrap Excedion Pro BioPharma Mass Spectrometer
- **Мультиплексирование:** до 20 прекурсоров на скан
- **Максимальное разрешение:** до 480 000 (FWHM) при m/z 200
- **Тип:** Orbitrap LC-MS
- **Комплект поставки:** один прибор

